

| ANALITA | COD. | METODO | TAT | ESECUZIONE | SEZIONE |
|---------|------|--------|-----|------------|---------|
|---------|------|--------|-----|------------|---------|

|  |            |                              |       |                       |  |
|--|------------|------------------------------|-------|-----------------------|--|
| <b>ANALISI MIRATA DI MUTAZIONE FAMILIARE</b> | 8370       | PCR E SEQUENZIAMENTO DIRETTO | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
| SANGUE INTERO IN EDTA                        | 1 CAMPIONE |                              |       |                       |  |

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)

Indicare obbligatoriamente nella notizia clinica NOTE la mutazione richiesta ed il gene da analizzare

VALORI DI RIFERIMENTO

RISULTATO Presenza/Assenza  
mutazione

INTERPRETAZIONE Significato clinico

CONCLUSIONE

|                            |            |            |       |                       |  |
|----------------------------|------------|------------|-------|-----------------------|--|
| <b>ANTIAGING CHECK DNA</b> | 8717       | MASS-ARRAY | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
| TAMPONE CAVO ORALE         | 2 CAMPIONI |            |       |                       |  |

SANGUE INTERO IN EDTA

KIT SALIVA PER TEST GENETICI

ANALISI

Questo test genetico appartiene alla LINEA IUNIC ed è contenuto in IUNIC ANTIAGING COMPLETO (codice 1962). Può essere richiesto singolarmente qualora non sia possibile inviare i campioni per la parte biochimica.

Compilare: consenso informato (INF\_GEN22 Synlab oppure consenso dello specialista)

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

|   |            |           |       |                       |  |
|---|------------|-----------|-------|-----------------------|--|
| <b>ARRAY CGH POSTNATALE DX (CE-IVD)</b> | 8713       | ARRAY CGH | 40 gg | L   M   M   G   V   S |  |
| SANGUE INTERO IN EDTA                   | 1 CAMPIONE |           |       |                       |  |

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN38 Synlab o consenso informato dello specialista.)

ATTENZIONE : è consigliabile l'invio di 1 campione di sangue intero EDTA per ciascun genitore e l'invio di 1 campione di sangue intero Li-eparina del paziente

VALORI DI RIFERIMENTO

|  |   |           |      |                       |  |
|--|---|-----------|------|-----------------------|--|
| <b>ARRAY-CGH PRENATALE 60KB (Cariotipo molecolare)</b> | 2045                                    | ARRAY CGH | 7 gg | L   M   M   G   V   S |  |
| LIQUIDO AMNIOTICO                                      | 7-10 mL Liq.Amn o<br>15mg Villi Coriali |           |      |                       |  |
| VILLI CORIALI  |   |           |      |                       |  |

ANALISI

Compilare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN36 Synlab o consenso informato dello specialista.)

ATTENZIONE : è obbligatorio l'invio di 1 campione di sangue intero EDTA per ciascun genitore (fare riferimento alle indicazioni riportate sulla CONS\_GEN36). Effettuare un'accettazione per ciascun campione. Il prezzo è da intendersi per campione: in caso di feto negativo verrà fatturato solo l'importo per 1 campione di materiale fetale, in caso di feto positivo verrà fatturato l'importo di 3 campioni (1 materiale fetale + 2 campioni dei genitori)

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

|   |            |  |       |                       |  |
|---|------------|--|-------|-----------------------|--|
| <b>BRCA PLUS - Pannello di predisposizione genetica al tumore al seno, ovaio, pancreas e prostata</b> | 2033       | SEQUENZIAMENTO MEDIANTE NEXT GENERATION SEQUENCING (NGS) | 31 gg | L   M   M   G   V   S |  |
| SANGUE INTERO IN EDTA   | 1 CAMPIONE |  |       |                       |  |

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO BRCA1 e 2 o consenso informato dello specialista.)

Sequenziamento NGS dei geni: APC, ATM, BARD1, BRCA1, BRCA2, BRIP1, CDH1, CDKN2A, CHEK2, DICER1, EPCAM, HOXB13, MLH1, MSH2, MSH6, MUTYH, PALB2, POLE, POLD1, PMS2, PTEN, RAD51C, RAD51D, STK11, TP53. Analisi di delezioni e duplicazioni dei geni BRCA1 e BRCA2 mediante MLPA.

VALORI DI RIFERIMENTO

BRCA PLUS Prevede Allegato

| ANALITA  | COD. | METODO   | TAT   | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|--|------|--|-------|-----------------------|---------|
| <b>BRCA1 e 2 REFLEX: RICERCA MUTAZIONI E MICRORIARRANGAMENTI</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA 1 CAMPIONE | 2081 | SEQUENZIAMENTO MEDIANTE NEXT GENERATION SEQUENCING (NGS) | 30 gg | L   M   M   G   V   S |         |

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO BRCA1 e 2 o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

|   |      |  |       |                       |  |
|---|------|--|-------|-----------------------|--|
| <b>CANCER PANEL - PANNELLO NGS PER LA PREDISPOSIZIONE AL CARCINOMA EREDITARIO</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA 1 CAMPIONE | 2091 | SEQUENZIAMENTO MEDIANTE NEXT GENERATION SEQUENCING (NGS) | 31 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|---|------|--|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

|  |      |            |       |                       |  |
|--|------|------------|-------|-----------------------|--|
| <b>CARDIO PGx - PANNELLO FARMACOGENETICA PER FARMACI CARDIOLOGICI</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE | 8712 | MASS-ARRAY | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|--|------|------------|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN18 Synlab oppure consenso dello specialista).

VALORI DI RIFERIMENTO

CARDIO PGx - Pannello farmacogenetica per farmaci cardiologi

Prevede allegato

|   |      |  |       |                       |  |
|---|------|--|-------|-----------------------|--|
| <b>CARDIOPANEL EXTENDED – PANNELLO NGS PER LA DIAGNOSI DI CARDIOMIOPATIA IPERTROFICA, DILATATIVA, RESTRITTIVA</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA 1 CAMPIONE | 2058 | SEQUENZIAMENTO MEDIANTE NEXT GENERATION SEQUENCING (NGS) | 31 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|---|------|--|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

|  |      |              |       |                       |  |
|--|------|--------------|-------|-----------------------|--|
| <b>CARIOTIPO SU LIQUIDO AMNIOTICO</b><br>LIQUIDO AMNIOTICO | 1425 | CITOGENETICA | 15 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|--|------|--------------|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Compilare il modulo di accettazione SCHEACC024

VALORI DI RIFERIMENTO

| ALFAFETOProteina SU LIQUIDO AMNIOTICO      | ng/mL | Settimana:     | Valori:     |
|--|-------|----------------|-------------|
|  |       | 15a            | 13000-22400 |
|  |       | 16a            | 13200-18200 |
|  |       | 17a            | 10900-15700 |
|  |       | 18a            | 7800-13600  |
|  |       | 19a            | 6400-13000  |
|  |       | 20a            | 1600-7200   |
| CARIOTIPO DA METAFASI DI LIQUIDO AMNIOTICO |       | Bandeggio ISCN |             |
| COLTURA DA AMNIOTICI                       |       | Bandeggio ISCN |             |

| ANALITA   | COD. | METODO                                       | TAT   | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|---|------|--|-------|-----------------------|---------|
| <b>CARIOTIPO SU MATERIALE ABORTIVO</b><br>TESSUTO ABORTIVO 1 CAMPIONE | 1507 | COLTURE IN<br>SOSPENSIONE E<br>BANDEGGIO QFQ | 15 gg | L   M   M   G   V   S |         |

ANALISI

Compilare il modulo di accettazione SCHEACC033

Il campione deve essere inviato in fisiologica + gentamicina.  
L'arrivo in laboratorio deve avvenire entro 24h altrimenti il risultato non è garantito.

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede allegato

|   |      |              |       |                       |  |
|---|------|--------------|-------|-----------------------|--|
| <b>CARIOTIPO SU SANGUE PERIFERICO</b><br>SANGUE INTERO LITIO EPARINA 2 CAMPIONI | 9900 | CITOGENETICA | 20 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|---|------|--------------|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Inviare il SCHEACC013 o 1 pagina SCHEACC013 + consenso informato specialista

I campioni su sangue periferico devono essere spediti il prima possibile dopo il prelievo. Saranno accettati solo i campioni che perverranno presso il laboratorio Synlab Italia entro 96 ore (4 gg) dal prelievo.

Sono necessarie 2 provette contenenti litio-eparina per ogni paziente.

PER SERVICE E PRIVATI CON PARTICOLARE ESESIONE

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

|   |      |              |       |                       |  |
|---|------|--------------|-------|-----------------------|--|
| <b>CARIOTIPO SU SANGUE PERIFERICO AD ALTA RISOLUZIONE</b><br>SANGUE INTERO LITIO EPARINA 2 CAMPIONI | 1423 | MICROSCOPICO | 20 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|---|------|--------------|-------|-----------------------|--|

Compilare il modulo di accettazione SCHEACC013

I campioni su sangue periferico devono essere spediti il prima possibile dopo il prelievo. Saranno accettati solo i campioni che perverranno presso il laboratorio Synlab Italia entro 96 ore (4 gg) dal prelievo

VALORI DI RIFERIMENTO

CARIOTIPO AD ALTA  
RISOLUZIONE Prevede Allegato

|  |      |              |       |                       |  |
|--|------|--------------|-------|-----------------------|--|
| <b>CARIOTIPO SU VILLI CORIALI</b><br>VILLI CORIALI | 1428 | CITOGENETICA | 15 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|--|------|--------------|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Compilare il modulo di accettazione SCHEACC023

VALORI DI RIFERIMENTO

COLTURA DA VILLI CORIALI A  
BREVE TERMINE Bandeggio ISCN

CARIOTIPI DA METAFASI  
SPONTANEE DI VILLI CORIALI Bandeggio ISCN

COLTURA VILLI CORIALI Bandeggio ISCN

CARIOTIPI DA METAFASI DI ALTRI  
TESSUTI Bandeggio ISCN

|  |       |                               |       |                       |  |
|--|-------|-------------------------------|-------|-----------------------|--|
| <b>CROMOSOMA Y : RICERCA DI MICRODELEZIONI</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA 5 mL | 60150 | PCR E ANALISI DI<br>FRAMMENTI | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|--|-------|-------------------------------|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Microdelezione Y o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

Cromosoma Y: ricerca di  
microdelezioni Prevede Allegato

| ANALITA  | COD. | METODO | TAT   | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|--|------|--------|-------|-----------------------|---------|
| <b>DIAGNOSI MOLECOLARE DI ALFA TALASSEMIA - ANALISI DEI GENI ALFA GLOBINICI</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA | 1152 | MLPA   | 21 gg | L   M   M   G   V   S |         |
| 3 mL   |      |        |       |                       |         |

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Alfa e beta talassemia o consenso informato dello specialista)

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

|  |      |                              |       |                       |  |
|--|------|------------------------------|-------|-----------------------|--|
| <b>DIAGNOSI MOLECOLARE DI BETA TALASSEMIA: SEQUENZIAMENTO COMPLETO DEL GENE HBB</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>LIQUIDO AMNIOTICO<br>VILLI CORIALI | 8424 | PCR E SEQUENZIAMENTO DIRETTO | 15 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|--|------|------------------------------|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Alfa e beta talassemia o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

|   |      |  |       |                       |  |
|---|------|--|-------|-----------------------|--|
| <b>DIAGNOSI MOLECOLARE DI CADASIL: RICECA DI MUTAZIONI NEL GENE NOTCH3</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA | 2065 | SEQUENZIAMENTO MEDIANTE NEXT GENERATION SEQUENCING (NGS) | 31 gg | L   M   M   G   V   S |  |
| 1 CAMPIONE  |      |  |       |                       |  |

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

|  |       |          |       |                       |  |
|--|-------|----------|-------|-----------------------|--|
| <b>DIAGNOSI MOLECOLARE DI EMOCROMATOSI (VARIANTI C282Y E H63D NEL GENE HFE)</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA | 60541 | RFLP PCR | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
| 1 CAMPIONE   |       |          |       |                       |  |

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Emocromatosi e fattori coagulazione o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

|  |       |                            |      |                       |  |
|--|-------|----------------------------|------|-----------------------|--|
| <b>DIAGNOSI MOLECOLARE DI FIBROSI CISTICA (TEST DI 1° LIVELLO)</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>LIQUIDO AMNIOTICO | 60140 | PCR E ANALISI DI FRAMMENTI | 5 gg | L   M   M   G   V   S |  |
| 5 mL   |       |                            |      |                       |  |

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Fibrosi cistica o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

|   |      |  |       |                       |  |
|---|------|--|-------|-----------------------|--|
| <b>DIAGNOSI MOLECOLARE DI FIBROSI CISTICA: SEQUENZIAMENTO COMPLETO DEL GENE CFTR</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA | 8409 | SEQUENZIAMENTO MEDIANTE NEXT GENERATION SEQUENCING (NGS) | 21 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|---|------|--|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Fibrosi cistica o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

RISULTATO

Referto originale in allegato

|  |      |                              |       |                       |  |
|--|------|------------------------------|-------|-----------------------|--|
| <b>DIAGNOSI MOLECOLARE DI TELANGECTASIA EMORRAGICA EREDITARIA (HHT)</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA | 8708 | PCR E SEQUENZIAMENTO DIRETTO | 30 gg | L   M   M   G   V   S |  |
| 3mL  |      |                              |       |                       |  |

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede allegato

| ANALITA   | COD. | METODO        | TAT   | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|---|------|---------------|-------|-----------------------|---------|
| <b>DPYD : RICERCA POLIMORFISMI ASSOCIATI ALLA TOSSICITÀ AL TRATTAMENTO CON FLUOROPIRIMIDINE</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA 1 CAMPIONE | 8773 | REAL TIME PCR | 10 gg | L   M   M   G   V   S |         |

ANALISI

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

|  |      |  |       |                       |  |
|--|------|--|-------|-----------------------|--|
| <b>EMICRANIA EMIPLEGICA FAMILIARE O SPORADICA - PANNELLO NGS</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA 1 CAMPIONE | 2096 | SEQUENZIAMENTO MEDIANTE NEXT GENERATION SEQUENCING (NGS) | 31 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|--|------|--|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

|   |      |  |       |                       |  |
|---|------|--|-------|-----------------------|--|
| <b>ESOMA - PANNELLO NGS</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA 1 CAMPIONE | 8827 | SEQUENZIAMENTO MEDIANTE NEXT GENERATION SEQUENCING (NGS) | 30 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|---|------|--|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN02 Synlab oppure consenso dello specialista).

VALORI DI RIFERIMENTO

|  |      |  |      |                       |  |
|--|------|--|------|-----------------------|--|
| <b>FATTORE V DI LEIDEN + FATTORE II</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE | 8545 |  | 5 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|--|------|--|------|-----------------------|--|

Prestazioni incluse nel profilo :

- 60540 Gene Fattore V: ricerca della mutazione G1691A (detta di Leiden)
- 60542 Gene Fattore II (Protrombina): ricerca della mutazione G20210A (rs1799963)

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Emocromatosi e fattori coagulazione o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

|  |      |  |      |                       |  |
|--|------|--|------|-----------------------|--|
| <b>FATTORE V DI LEIDEN + FATTORE II + MTHFR C677T</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE | 8546 |  | 5 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|--|------|--|------|-----------------------|--|

Prestazioni incluse nel profilo :

- 60124 Gene MTHFR: ricerca della mutazione C677T (rs1801133)
- 60540 Gene Fattore V: ricerca della mutazione G1691A (detta di Leiden)
- 60542 Gene Fattore II (Protrombina): ricerca della mutazione G20210A (rs1799963)

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Emocromatosi e fattori coagulazione o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

|   |      |  |      |                       |  |
|---|------|--|------|-----------------------|--|
| <b>FATTORE V DI LEIDEN + FATTORE II + MTHFR C677T + MTHFR A1298C</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE | 8547 |  | 5 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|---|------|--|------|-----------------------|--|

ANALISI

Prestazioni incluse nel profilo:

- 60124 Gene MTHFR: ricerca della mutazione C677T (rs1801133)
- 601240 Gene MTHFR: ricerca della variazione A1298C (rs1801131)
- 60540 Gene Fattore V: ricerca della mutazione G1691A (detta di Leiden)
- 60542 Gene Fattore II (Protrombina): ricerca della mutazione G20210A (rs1799963)

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Emocromatosi e fattori coagulazione o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

| ANALITA  | COD. | METODO                           | TAT   | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|--|------|----------------------------------|-------|-----------------------|---------|
| <b>FISH PER SINGOLA REGIONE BERSAGLIO</b><br>SANGUE INTERO LITIO EPARINA 1 CAMPIONE<br>LIQUIDO AMNIOTICO<br>VILLI CORIALI<br>Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN35 Synlab oppure consenso dello specialista).<br>VALORI DI RIFERIMENTO<br>Prevede Allegato   | 2036 | IBRIDAZIONE FLUORESCENTE IN SITU | 15 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| <b>FISH PER SONDE CENTROMERICHE</b><br>SANGUE INTERO LITIO EPARINA 1 CAMPIONE<br>LIQUIDO AMNIOTICO<br>VILLI CORIALI<br>Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN35 Synlab oppure consenso dello specialista).<br>VALORI DI RIFERIMENTO<br>Prevede Allegato   | 2090 | IBRIDAZIONE FLUORESCENTE IN SITU | 15 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| <b>FISH PER WHOLE CHROMOSOME PAINTING</b><br>SANGUE INTERO LITIO EPARINA 1 CAMPIONE<br>LIQUIDO AMNIOTICO<br>VILLI CORIALI<br>Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN35 Synlab oppure consenso dello specialista).<br>VALORI DI RIFERIMENTO<br>Prevede Allegato   | 2089 | IBRIDAZIONE FLUORESCENTE IN SITU | 15 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| <b>GASTRO PGx - PANNELLO FARMACOGENETICA PER FARMACI GASTRICI</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA 1 CAMPIONE<br>TAMPONE CAVO ORALE<br>Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN35 Synlab oppure consenso dello specialista).<br>VALORI DI RIFERIMENTO<br>Prevede allegato   | 8751 | MASS-ARRAY                       | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| <b>GENE ABCB1: RICERCA DELLE VARIAZIONI 3435T/C, 1236T/C e 2677T-A/G</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN35 Synlab oppure consenso dello specialista).<br>VALORI DI RIFERIMENTO<br>RISULTATO Genotipo Individuato<br>INTERPRETAZIONE Presenza/Assenza mutazioni                     | 8358 | RFLP PCR                         | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| <b>GENE ACE: RICERCA DELLA VARIAZIONE I/D (rs4646994)</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA 1 CAMPIONE<br>TAMPONE CAVO ORALE<br>Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN35 Synlab oppure consenso dello specialista).<br>VALORI DI RIFERIMENTO<br>RISULTATO Genotipo Individuato<br>INTERPRETAZIONE Presenza/Assenza mutazione   | 8049 | REAL TIME PCR                    | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| <b>GENE AGT: RICERCA DELLA VARIAZIONE Met235Thr (rs699)</b><br>TAMPONE CAVO ORALE 1 CAMPIONE<br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN35 Synlab oppure consenso dello specialista).<br>VALORI DI RIFERIMENTO<br>RISULTATO Genotipo Individuato<br>INTERPRETAZIONE Presenza/Assenza mutazione | 8360 | RFLP PCR                         | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |

| ANALITA  | COD.                          | METODO                       | TAT   | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|--|-------------------------------|------------------------------|-------|-----------------------|---------|
| <b>GENE APOB: RICERCA DELLA VARIAZIONE R3500Q</b><br>TAMPONE CAVO ORALE<br>SANGUE INTERO IN EDTA | 8363                          | PCR E SEQUENZIAMENTO DIRETTO | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                               |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Genotipo Individuato          |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Presenza/Assenza mutazione    |                              |       |                       |         |
| CONCLUSIONE  |                               |                              |       |                       |         |
| <b>GENE APOE: GENOTIPIZZAZIONE E2-E3-E4</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA                             | 8366                          | PCR E REVERSE DOT BLOT       | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| 1 CAMPIONE   |                               |                              |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                               |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Genotipo individuato          |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Presenza/Assenza mutazione    |                              |       |                       |         |
| <b>GENE CBS: RICERCA DELLA VARIAZIONE 844ins68</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA                      | 8387                          | RFLP PCR                     | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| TAMPONE CAVO ORALE   | 1 CAMPIONE                    |                              |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                               |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Genotipo individuato          |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Presenza/Assenza mutazione    |                              |       |                       |         |
| <b>GENE CBS: RICERCA DELLA VARIAZIONE T1080C</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA                        | 8386                          | RFLP PCR                     | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| TAMPONE CAVO ORALE   | 1 CAMPIONE                    |                              |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                               |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Genotipo individuato          |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Presenza/Assenza mutazione    |                              |       |                       |         |
| <b>GENE CETP: RICERCA DELLA VARIAZIONE 1533G/A</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA                      | 8390                          | RFLP PCR                     | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| TAMPONE CAVO ORALE   | 1 CAMPIONE                    |                              |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                               |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Genotipo individuato          |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Presenza/Assenza mutazione    |                              |       |                       |         |
| <b>GENE CETP: RICERCA DELLA VARIAZIONE I405V</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA                        | 8389                          | RFLP PCR                     | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| TAMPONE CAVO ORALE   | 1 CAMPIONE                    |                              |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                               |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Genotipo individuato          |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Presenza/Assenza mutazione    |                              |       |                       |         |
| <b>GENE CFTR: ANALISI MIRATA DI SINGOLA REGIONE NOTA DEL GENE</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA       | 8407                          | PCR E SEQUENZIAMENTO DIRETTO | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                               |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Referto originale in allegato |                              |       |                       |         |

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Fibrosi cistica o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

RISULTATO Referto originale in allegato

| ANALITA  | COD.                       | METODO                       | TAT   | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|--|----------------------------|------------------------------|-------|-----------------------|---------|
| <b>GENE COL1A1: RICERCA DELLA VARIAZIONI S/s</b><br>TAMPONE CAVO ORALE 1 CAMPIONE                              | 8392                       | REAL TIME PCR                | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                            |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Presenza/Assenza mutazione |                              |       |                       |         |
| -----  |                            |                              |       |                       |         |
| <b>GENE CYP1A2: RICERCA DELLA VARIAZIONE *C</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE                 | 8377                       | RFLP PCR                     | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                            |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Genotipo individuato       |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Presenza/Assenza mutazione |                              |       |                       |         |
| -----  |                            |                              |       |                       |         |
| <b>GENE CYP1A2: RICERCA DELLA VARIAZIONE *F (rs762551)</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE      | 8378                       | REAL TIME PCR                | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                            |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Genotipo individuato       |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Presenza/Assenza mutazione |                              |       |                       |         |
| -----  |                            |                              |       |                       |         |
| <b>GENE CYP2C19: RICERCA DELLE VARIAZIONI *2 e *3</b><br>TAMPONE CAVO ORALE<br>SANGUE INTERO IN EDTA           | 8379                       | PCR E SEQUENZIAMENTO DIRETTO | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                            |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Genotipo individuato       |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Presenza/Assenza mutazione |                              |       |                       |         |
| -----  |                            |                              |       |                       |         |
| <b>GENE CYP2C9: RICERCA DELLE VARIAZIONI *2 e *3</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE            | 8380                       | RFLP PCR                     | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                            |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Prevede Allegato           |                              |       |                       |         |
| -----  |                            |                              |       |                       |         |
| <b>GENE CYP2D6: RICERCA DI VARIAZIONI NOTE</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA 1 CAMPIONE<br>TAMPONE CAVO ORALE       | 1636                       | PCR + SEQUENZIAMENTO         | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                            |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Genotipo individuato       |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Assenza/presenza mutazioni |                              |       |                       |         |
| -----  |                            |                              |       |                       |         |
| <b>GENE CYP7A1: RICERCA DELLA VARIAZIONE -278A/C</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA 1 CAMPIONE<br>TAMPONE CAVO ORALE | 8395                       | PCR E SEQUENZIAMENTO DIRETTO | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                            |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Genotipo Individuato       |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Presenza/Assenza mutazione |                              |       |                       |         |

| ANALITA | COD. | METODO | TAT | ESECUZIONE | SEZIONE |
|---------|------|--------|-----|------------|---------|
|---------|------|--------|-----|------------|---------|

|  |      |      |       |                       |  |
|--|------|------|-------|-----------------------|--|
| <b>GENE DMD : RICERCA DELEZIONI/DUPLICAZIONI (DISTROFIA MUSCOLARE DI DUCHENNE)</b> | 6308 | MLPA | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
| SANGUE INTERO IN EDTA  | 5 mL |      |       |                       |  |

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

|                 |   |
|-----------------|---|
| RISULTATO       | Delezioni/duplicazioni nel gene DMD   |
| INTERPRETAZIONE | Presenza/assenza mutazioni responsabili della Distrofia Muscolare di Duchenne |

|  |            |          |       |                       |  |
|--|------------|----------|-------|-----------------------|--|
| <b>GENE ESR1 (RECETTORE DEGLI ESTROGENI DI TIPO 1): RICERCA DELLA VARIAZIONE P</b> | 8399       | RFLP PCR | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
| SANGUE INTERO IN EDTA  | 1 CAMPIONE |          |       |                       |  |
| TAMPONE CAVO ORALE   |            |          |       |                       |  |

ANALISI

VALORI DI RIFERIMENTO

|                 |                            |
|-----------------|----------------------------|
| RISULTATO       | Genotipo Individuato       |
| INTERPRETAZIONE | Presenza/assenza mutazione |

|  |            |          |       |                       |  |
|--|------------|----------|-------|-----------------------|--|
| <b>GENE ESR1 (RECETTORE DEGLI ESTROGENI DI TIPO 1): RICERCA DELLA VARIAZIONE X</b> | 8400       | RFLP PCR | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
| SANGUE INTERO IN EDTA  | 1 CAMPIONE |          |       |                       |  |
| TAMPONE CAVO ORALE   |            |          |       |                       |  |

ANALISI

VALORI DI RIFERIMENTO

|                 |                            |
|-----------------|----------------------------|
| RISULTATO       | Genotipo Individuato       |
| INTERPRETAZIONE | Presenza/Assenza mutazione |

|   |       |               |      |                       |  |
|---|-------|---------------|------|-----------------------|--|
| <b>GENE FATTORE II (PROTROMBINA): RICERCA DELLA MUTAZIONE G20210A (rs1799963)</b> | 60542 | PCR REAL TIME | 5 gg | L   M   M   G   V   S |  |
| SANGUE INTERO IN EDTA   | 5 mL  |               |      |                       |  |
| TAMPONE CAVO ORALE  |       |               |      |                       |  |

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Emocromatosi e fattori coagulazione o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

|                 |                            |
|-----------------|----------------------------|
| RISULTATO       | Genotipo individuato       |
| INTERPRETAZIONE | Presenza/assenza mutazione |

CONCLUSIONE

|   |       |               |      |                       |  |
|---|-------|---------------|------|-----------------------|--|
| <b>GENE FATTORE V: RICERCA DELLA MUTAZIONE G1691A (detta di Leiden)</b> | 60540 | PCR REAL TIME | 5 gg | L   M   M   G   V   S |  |
| SANGUE INTERO IN EDTA   | 5 mL  |               |      |                       |  |
| TAMPONE CAVO ORALE  |       |               |      |                       |  |

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Emocromatosi e fattori coagulazione o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

|                 |                            |
|-----------------|----------------------------|
| RISULTATO       | Genotipo individuato       |
| INTERPRETAZIONE | Presenza/assenza mutazione |

CONCLUSIONE

| ANALITA  | COD. | METODO   | TAT  | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|--|------|----------|------|-----------------------|---------|
| <b>GENE FATTORE V: RICERCA DELLA MUTAZIONE H1299R (detta HR2)</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE | 1274 | RFLP PCR | 5 gg | L   M   M   G   V   S |         |

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Emocromatosi e fattori coagulazione o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

RISULTATO Genotipo individuato  
INTERPRETAZIONE Presenza/assenza mutazione

CONCLUSIONE

|  |      |                              |       |                       |  |
|--|------|------------------------------|-------|-----------------------|--|
| <b>GENE FATTORE V: RICERCA DELLA MUTAZIONE Y1702C</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE | 8403 | PCR E SEQUENZIAMENTO DIRETTO | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|--|------|------------------------------|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Emocromatosi e fattori coagulazione o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

RISULTATO Genotipo Individuato  
INTERPRETAZIONE Presenza/Assenza mutazione

|   |      |          |       |                       |  |
|---|------|----------|-------|-----------------------|--|
| <b>GENE FATTORE VII: RICERCA DELLA MUTAZIONE R353Q</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE | 8404 | RFLP PCR | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|---|------|----------|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Emocromatosi e fattori coagulazione o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

RISULTATO Genotipo Individuato  
INTERPRETAZIONE Presenza/Assenza mutazione

|  |      |          |       |                       |  |
|--|------|----------|-------|-----------------------|--|
| <b>GENE FATTORE XII: RICERCA DELLA MUTAZIONE C46T</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE | 8401 | RFLP PCR | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|--|------|----------|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Emocromatosi e fattori coagulazione o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

RISULTATO Genotipo Individuato  
INTERPRETAZIONE Presenza/Assenza mutazione

|   |      |          |       |                       |  |
|---|------|----------|-------|-----------------------|--|
| <b>GENE FATTORE XIII: RICERCA DELLA MUTAZIONE V34L</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE | 8402 | RFLP PCR | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|---|------|----------|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Emocromatosi e fattori coagulazione o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

RISULTATO Genotipo individuato  
INTERPRETAZIONE Presenza/assenza mutazione

|  |      |               |       |                       |  |
|--|------|---------------|-------|-----------------------|--|
| <b>GENE FIBRB (FIBRINOGENO BETA): RICERCA DELLA MUTAZIONE - 455G&gt;A</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA | 8410 | REAL TIME PCR | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|--|------|---------------|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Emocromatosi e fattori coagulazione o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

RISULTATO Genotipo Individuato  
INTERPRETAZIONE Presenza/Assenza mutazione

| ANALITA   | COD.                        | METODO                     | TAT   | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|---|-----------------------------|----------------------------|-------|-----------------------|---------|
| <b>GENE FLG (FILAGRINA): RICERCA DELLA VARIAZIONE 2282del4</b>  | 8411                        | RFLP PCR                   | 10 gg | L   M   M   G   V   S |         |
| SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE   | 1 CAMPIONE                  |                            |       |                       | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |                             |                            |       |                       |         |
| RISULTATO   | Genotipo individuato        |                            |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE   | Presenza/Assenza mutazione  |                            |       |                       |         |
| <b>GENE FMR1: ANALISI DI PREMUTAZIONE E MUTAZIONE COMPLETA (SINDROME DELL'X-FRAGILE E PATOLOGIE ASSOCIATE A PREMUTAZIONE)</b>       | 488                         | PCR E ANALISI DI FRAMMENTI | 10 gg | L   M   M   G   V   S |         |
| SANGUE INTERO IN EDTA<br>LIQUIDO AMNIOTICO<br>VILLI CORIALI   | 5 mL                        |                            |       |                       | ANALISI |
| Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.) |                             |                            |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |                             |                            |       |                       |         |
| Prevede Allegato  |                             |                            |       |                       |         |
| <b>GENE FSHR: RICERCA DELLE VARIAZIONI T307A e N680S</b>  | 8415                        | RFLP PCR                   | 10 gg | L   M   M   G   V   S |         |
| SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE   | 1 CAMPIONE                  |                            |       |                       | ANALISI |
| Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN20 Synlab oppure consenso dello specialista).                          |                             |                            |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |                             |                            |       |                       |         |
| RISULTATO   | Genotipo individuato        |                            |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE   | Presenza/Assenza mutazioni  |                            |       |                       |         |
| <b>GENE GPIA: RICERCA DELLA VARIAZIONE C807T</b>  | 8418                        | RFLP PCR                   | 10 gg | L   M   M   G   V   S |         |
| SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE   | 1 CAMPIONE                  |                            |       |                       | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |                             |                            |       |                       |         |
| RISULTATO   | Genotipo individuato        |                            |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE   | Presenza/Assenza mutazioni  |                            |       |                       |         |
| <b>GENE GSTM: RICERCA DELLA VARIAZIONE Ins/Del</b>  | 8420                        | REAL TIME PCR              | 10 gg | L   M   M   G   V   S |         |
| TAMPONE CAVO ORALE  | 1 CAMPIONE                  |                            |       |                       | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |                             |                            |       |                       |         |
| RISULTATO   | Presenza/Assenza variazione |                            |       |                       |         |
| <b>GENE GSTP: RICERCA DELLA VARIAZIONE 313 A&gt;G (1578 A&gt;G rs1695)</b>  | 8421                        | RFLP PCR                   | 10 gg | L   M   M   G   V   S |         |
| SANGUE INTERO IN EDTA   | 1 CAMPIONE                  |                            |       |                       | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |                             |                            |       |                       |         |
| RISULTATO   | Presenza/Assenza variazione |                            |       |                       |         |
| <b>GENE GSTT: RICERCA DELLA VARIAZIONE Ins/Del</b>  | 8422                        | REAL TIME PCR              | 10 gg | L   M   M   G   V   S |         |
| TAMPONE CAVO ORALE  | 1 CAMPIONE                  |                            |       |                       | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |                             |                            |       |                       |         |
| RISULTATO   | Presenza/Assenza variazione |                            |       |                       |         |

| ANALITA  | COD.                        | METODO                       | TAT   | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|--|-----------------------------|------------------------------|-------|-----------------------|---------|
| <b>GENE HPA-1: RICERCA DELLA VARIAZIONE 1a/1b</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE                 | 8193                        | REAL TIME PCR                | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                             |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Genotipo Individuato        |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Presenza/Assenza variazione |                              |       |                       |         |
| <b>GENE IL10 (INTERLEUCHINA 10): RICERCA DELLA VARIAZIONE -1082G/A</b><br>TAMPONE CAVO ORALE                     | 8446                        | RFLP PCR                     | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                             |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Genotipo Individuato        |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Presenza/Assenza variazione |                              |       |                       |         |
| <b>GENE IL6 (INTERLEUCHINA 6): RICERCA DELLA VARIAZIONE G-174C (rs1800795)</b><br>TAMPONE CAVO ORALE             | 8447                        | REAL TIME PCR                | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                             |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Genotipo identificato       |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Presenza/Assenza variazione |                              |       |                       |         |
| <b>GENE IL6 (INTERLEUCHINA 6): RICERCA DELLA VARIAZIONE G-634C (rs1800796)</b><br>TAMPONE CAVO ORALE             | 8448                        | RFLP PCR                     | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                             |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Presenza/Assenza mutazione  |                              |       |                       |         |
| <b>GENE IRS-1: RICERCA DELLA VARIAZIONE Gly972Arg (rs1801278)</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE | 8452                        | RFLP PCR                     | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                             |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Genotipo Individuato        |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Presenza/Assenza mutazione  |                              |       |                       |         |
| <b>GENE LHB: RICERCA DELLA VARIAZIONE p.I35T (rs34349826)</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE     | 8463                        | PCR E SEQUENZIAMENTO DIRETTO | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                             |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Genotipo individuato        |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Presenza/Assenza variazione |                              |       |                       |         |

| ANALITA   | COD.                        | METODO                       | TAT   | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|---|-----------------------------|------------------------------|-------|-----------------------|---------|
| <b>GENE LHB: RICERCA DELLA VARIAZIONE p.W28R (rs1800447)</b>  | 8462                        | PCR E SEQUENZIAMENTO DIRETTO | 10 gg | L   M   M   G   V   S |         |
| SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE   | 1 CAMPIONE                  |                              |       |                       |         |
| ANALISI   |                             |                              |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |                             |                              |       |                       |         |
| RISULTATO   | Genotipo individuato        |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE   | Presenza/Assenza variazione |                              |       |                       |         |
| <b>GENE LHCGR: RICERCA DELLA MUTAZIONE R554X (rs121912524)</b>  | 8464                        | RFLP PCR                     | 10 gg | L   M   M   G   V   S |         |
| SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE   | 1 CAMPIONE                  |                              |       |                       |         |
| ANALISI   |                             |                              |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |                             |                              |       |                       |         |
| RISULTATO   | Genotipo Individuato        |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE   | Presenza/Assenza mutazione  |                              |       |                       |         |
| <b>GENE MMP9: RICERCA DELLA VARIAZIONE rs3918242</b>  | 8472                        | PCR E SEQUENZIAMENTO DIRETTO | 10 gg | L   M   M   G   V   S |         |
| TAMPONE CAVO ORALE  | 1 CAMPIONE                  |                              |       |                       |         |
| ANALISI   |                             |                              |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |                             |                              |       |                       |         |
| RISULTATO   | Genotipo identificato       |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE   | Presenza/assenza variazione |                              |       |                       |         |
| <b>GENE MTHFR: RICERCA DELLA MUTAZIONE A1298C (rs1801131)</b>   | 601240                      | PCR REAL TIME                | 5 gg  | L   M   M   G   V   S |         |
| SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE   | 5 mL                        |                              |       |                       |         |
| ANALISI   |                             |                              |       |                       |         |
| Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.) |                             |                              |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |                             |                              |       |                       |         |
| RISULTATO   | Genotipo individuato        |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE   | Presenza/assenza mutazione  |                              |       |                       |         |
| CONCLUSIONE   |                             |                              |       |                       |         |
| <b>GENE MTHFR: RICERCA DELLA MUTAZIONE C677T (rs1801133)</b>  | 60124                       | PCR REAL TIME                | 5 gg  | L   M   M   G   V   S |         |
| SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE   | 5 mL                        |                              |       |                       |         |
| ANALISI   |                             |                              |       |                       |         |
| Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.) |                             |                              |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |                             |                              |       |                       |         |
| RISULTATO   | Genotipo individuato        |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE   | Presenza/assenza mutazione  |                              |       |                       |         |
| CONCLUSIONE   |                             |                              |       |                       |         |
| <b>GENE MTR: RICERCA DELLA VARIAZIONE A2756G (rs1805087)</b>  | 8475                        | PCR                          | 10 gg | L   M   M   G   V   S |         |
| TAMPONE CAVO ORALE<br>SANGUE INTERO IN EDTA   | 1 CAMPIONE                  |                              |       |                       |         |
| ANALISI   |                             |                              |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |                             |                              |       |                       |         |
| RISULTATO   | Genotipo identificato       |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE   | Presenza/Assenza variazione |                              |       |                       |         |

| ANALITA  | COD.                        | METODO   | TAT   | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|--|-----------------------------|--|-------|-----------------------|---------|
| <b>GENE NOS3: RICERCA DELLA VARIAZIONE 894G/T (rs1799983)</b><br>TAMPONE CAVO ORALE 1 CAMPIONE   | 8483                        | RFLP PCR   | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                             |  |       |                       |         |
| RISULTATO  | Presenza/assenza variazione |  |       |                       |         |
| <b>GENE NOS3: RICERCA DELLA VARIAZIONE T-786C (rs2070744)</b><br>TAMPONE CAVO ORALE 1 CAMPIONE   | 8482                        | RFLP PCR   | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                             |  |       |                       |         |
| RISULTATO  | Presenza/Assenza variazione |  |       |                       |         |
| <b>GENE NOS3: RICERCA DELLA VARIAZIONE VNTR NELL'INTRONE 4 (rs61722009)</b><br>TAMPONE CAVO ORALE 1 CAMPIONE   | 8481                        | PCR  | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                             |  |       |                       |         |
| RISULTATO  | Presenza/Assenza variazione |  |       |                       |         |
| <b>GENE P2RY12: RICERCA DELLA VARIAZIONE RS2046934</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA 1 CAMPIONE<br>TAMPONE CAVO ORALE   | 8485                        | PCR  | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                             |  |       |                       |         |
| RISULTATO  | Genotipo individuato        |  |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Presenza/assenza variazione |  |       |                       |         |
| <b>GENE PAI-1 : RICERCA DELLA MUTAZIONE 4G/5G (rs1799889)</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA 1 CAMPIONE<br>TAMPONE CAVO ORALE  | 1051                        | RFLP PCR   | 5 gg  | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN20 Synlab oppure consenso dello specialista).   |                             |  |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                             |  |       |                       |         |
| RISULTATO  | Genotipo individuato        |  |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Presenza/assenza mutazione  |  |       |                       |         |
| <b>GENE PTEN: DIAGNOSI MOLECOLARE DELLA SINDROME DI COWDEN, DELLA SINDROME BANNAYANRILEY-RUVALCABA E DELLA SINDROME LHERMITTE-DUCLOS</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA 1 CAMPIONE | 2069                        | SEQUENZIAMENTO MEDIANTE NEXT GENERATION SEQUENCING (NGS) | 31 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)  |                             |  |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                             |  |       |                       |         |
| Prevede Allegato   |                             |  |       |                       |         |
| <b>GENE SHOX : RICERCA DELEZIONI E DUPLICAZIONI NEL GENE</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA 1 CAMPIONE   | 8783                        | MLPA   | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)  |                             |  |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                             |  |       |                       |         |

| ANALITA   | COD.                        | METODO                       | TAT   | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|---|-----------------------------|------------------------------|-------|-----------------------|---------|
| <b>GENE SLC6A4: RICERCA DELLA VARIAZIONE I/D nella regione HTTLPR</b><br>TAMPONE CAVO ORALE<br>1 CAMPIONE   | 8504                        | PCR                          | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |                             |                              |       |                       |         |
| RISULTATO   | Genotipo identificato       |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE   | Presenza/Assenza variazione |                              |       |                       |         |
| <b>GENE SMN1: RICERCA DI DELEZIONI RESPONSABILI DI ATROFIA MUSCOLARE SPINALE (SMA)</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>LIQUIDO AMNIOTICO<br>VILLI CORIALI | 8505                        | MLPA                         | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN20 Synlab + ALLEGATO SMA o consenso informato dello specialista.)                        |                             |                              |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |                             |                              |       |                       |         |
| Prevede Allegato  |                             |                              |       |                       |         |
| <b>GENE TNFA: RICERCA DELLA VARIAZIONE -308G/A (rs1800629)</b><br>TAMPONE CAVO ORALE<br>1 CAMPIONE  | 8511                        | REAL TIME PCR                | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |                             |                              |       |                       |         |
| RISULTATO   | Genotipo individuato        |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE   | Presenza/assenza variazione |                              |       |                       |         |
| <b>GENE TP53: SEQUENZIAMENTO COMPLETO</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>MATERIALE BIOPTICO  | 8486                        | PCR E SEQUENZIAMENTO DIRETTO | 30 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)                   |                             |                              |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |                             |                              |       |                       |         |
| Prevede Allegato  |                             |                              |       |                       |         |
| <b>GENE TPMT : RICERCA APLOTIPI *2A *3A *3B *3C RESPONSABILI DI TOSSICITÀ ALLE TIOPURINE</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>1 CAMPIONE                   | 2084                        | REAL TIME PCR                | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)                   |                             |                              |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |                             |                              |       |                       |         |
| <b>GENE UGT1A1:RICERCA POLIMORFISMI ASSOCIATI ALLA TOSSICITA' A IRINOTECANO</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>1 CAMPIONE                                | 8779                        | REAL TIME PCR                | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| Prevede Allegato  |                             |                              |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |                             |                              |       |                       |         |
| <b>GENE VDR: RICERCA DELLA VARIAZIONE B/b (rs1544410)</b><br>TAMPONE CAVO ORALE<br>1 CAMPIONE   | 8514                        | REAL TIME PCR                | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |                             |                              |       |                       |         |
| RISULTATO   | Presenza/Assenza variazione |                              |       |                       |         |

| ANALITA  | COD.                             | METODO                       | TAT   | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|--|----------------------------------|------------------------------|-------|-----------------------|---------|
| <b>GENE VDR: RICERCA DELLA VARIAZIONE F/f (rs2228570)</b><br>TAMPONE CAVO ORALE 1 CAMPIONE         | 8515                             | RFLP PCR                     | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                                  |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Genotipo individuato             |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Presenza/Assenza variazione      |                              |       |                       |         |
| <b>GENE VEGF: RICERCA DELLA VARIAZIONE 2578C/A</b><br>TAMPONE CAVO ORALE 1 CAMPIONE                | 8516                             | RFLP PCR                     | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                                  |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Presenza/Assenza variazione      |                              |       |                       |         |
| <b>GENE VEGF: RICERCA DELLA VARIAZIONE 634G&gt;C</b><br>TAMPONE CAVO ORALE 1 CAMPIONE              | 8517                             | MASS-ARRAY                   | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                                  |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Presenza/Assenza variazione      |                              |       |                       |         |
| <b>GENE VKORC: RICERCA DELLA VARIAZIONE C1173T</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE  | 8519                             | PCR E SEQUENZIAMENTO DIRETTO | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                                  |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Genotipo identificato            |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Presenza/Assenza variazione      |                              |       |                       |         |
| <b>GENE VKORC: RICERCA DELLA VARIAZIONE G-1639A</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE | 8518                             | PCR E SEQUENZIAMENTO DIRETTO | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                                  |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Genotipo individuato             |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Presenza/Assenza variazione      |                              |       |                       |         |
| <b>GENE VKORC: RICERCA DELLA VARIAZIONE G3730A</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE  | 8520                             | PCR E SEQUENZIAMENTO DIRETTO | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                                  |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Genotipo identificato            |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Presenza/Assenza variazione      |                              |       |                       |         |
| <b>HLA B27 DNA</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA 1 CAMPIONE   | 60121                            | PCR E REVERSE DOT BLOT       | 8 gg  | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |                                  |                              |       |                       |         |
| RISULTATO  | Positivo/Negativo                |                              |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Presenza/assenza allele HLA-B*27 |                              |       |                       |         |

| ANALITA  | COD.   | METODO   | TAT   | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|--|--|--|-------|-----------------------|---------|
| <b>HLA MORBO CELIACO DQ2 - DQ8</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE  | 60125  | REAL TIME PCR  | 8 gg  | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| 1 CAMPIONE<br>Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN20 Synlab + ALLEGATO Malattia celiaca o consenso informato dello specialista.)<br>VALORI DI RIFERIMENTO |  |  |       |                       |         |
| Prevede Allegato   |  |  |       |                       |         |
| <b>HLA TIPIZZAZIONE COMPLETA (LOCI A-B-C, DRB1-DQB1)</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA  | 60114  | PCR E REVERSE DOT BLOT   | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| 5 mL<br>VALORI DI RIFERIMENTO  |  |  |       |                       |         |
| HLA tipizzazione completa (loci A-B-C, DR-DQ)  | Tipizzazione molecolare locus A<br>Tipizzazione molecolare locus B3<br>Tipizzazione molecolare locus C | Tipizzazione molecolare locus DRB1<br>Tipizzazione molecolare locus DQB1 |       |                       |         |
| <b>HLA TIPIZZAZIONE CLASSE II (LOCI DRB1-DQB1)</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA  | 60119  | PCR + IBRIDAZIONE (BASSA RISOLUZIONE)                                    | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| 5 mL<br>VALORI DI RIFERIMENTO  |  |  |       |                       |         |
| HLA TIPIZZAZIONE CLASSE II (LOCI DR-DQ)  | Esone 2 locus DRB1<br>Esoni 2,3 locus DQB1   |  |       |                       |         |
| <b>INTERLEUCHINA 28B : RICERCA POLIMORFISMO rs12979860</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA  | 1098   | PCR REAL TIME  | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| 3 mL<br>VALORI DI RIFERIMENTO  |  |  |       |                       |         |
| RISULTATO  | Genotipo identificato  |  |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Presenza/assenza mutazione   |  |       |                       |         |
| <b>INTERLEUCHINA 28B 917 GENOTIPO (rs 8099917)</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA  | 1276   | PCR REAL TIME  | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| 3 mL<br>VALORI DI RIFERIMENTO  |  |  |       |                       |         |
| RISULTATO  | Genotipo identificato  |  |       |                       |         |
| INTERPRETAZIONE  | Presenza/assenza mutazione   |  |       |                       |         |
| <b>INTOLLERANZA AL NICHEL (RICERCA DI MUTAZIONI SU TNF E FLG)</b><br>TAMPONE CAVO ORALE  | 8479   | MASS-ARRAY   | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| 1 CAMPIONE<br>Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)<br>VALORI DI RIFERIMENTO         |  |  |       |                       |         |
| RISULTATO  | Referto originale in allegato  |  |       |                       |         |

| ANALITA   | COD. | METODO | TAT  | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|---|------|--------|------|-----------------------|---------|
| <b>INTOLLERANZA GENETICA AL LATTOSIO E PREDISPOSIZIONE ALLA MALATTIA CELIACA</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE | 8569 |        | 8 gg | L   M   M   G   V   S |         |

ANALISI

Prestazioni incluse nel pacchetto:

- 60125 Predisposizione a Malattia Celiaca (DR3-DQ2, DR7-DQ2, DR4-DQ8)
- 8461 Intolleranza genetica al lattosio : ricerca della variazione -13910C>T

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Malattia celiaca + ALLEGATO Intolleranza lattosio o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

|  |      |               |      |                       |  |
|--|------|---------------|------|-----------------------|--|
| <b>INTOLLERANZA GENETICA AL LATTOSIO: RICERCA DELLA VARIAZIONE -13910C&gt;T</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE | 8461 | REAL TIME PCR | 8 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|--|------|---------------|------|-----------------------|--|

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Intolleranza lattosio o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

|                 |                             |
|-----------------|-----------------------------|
| RISULTATO       | Genotipo Individuato        |
| INTERPRETAZIONE | Presenza/Assenza variazione |
| CONCLUSIONE     | Significato clinico         |

|   |      |  |       |                       |  |
|---|------|--|-------|-----------------------|--|
| <b>IPERSENSIBILITA' AL WARFARIN (GENI CYP2C9 WKORC)</b> | 8521 |  | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|---|------|--|-------|-----------------------|--|

Prestazioni incluse nel profilo:

- 8380 Gene CYP2C9: ricerca delle variazioni \*2 e \*3
- 8518 Gene VKORC: ricerca della variazione G-1639A

VALORI DI RIFERIMENTO

|  |      |  |       |                       |  |
|--|------|--|-------|-----------------------|--|
| <b>IUNIC ANTIAGING CHECK-UP</b><br>2 PROV.SIERO (TAPPO BLU) + 1<br>PROV.SIERO CONGELATO + 1<br>PROV.SIERO METAL FREE + 1<br>PROV.PLASMA CITRATATO<br>(TAPPO VERDE ACQUA) | 1946 |  | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|--|------|--|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Il test appartiene alla LINEA IUNIC ed è contenuto anche in IUNIC ANTIAGING COMPLETO (codice 1962).  
Può essere richiesto singolarmente per il monitoraggio periodico del paziente che ha precedentemente eseguito IUNIC ANTIAGING COMPLETO.

Il pacchetto comprende le seguenti analisi :

Acido folico, Potenziale biologico ossidante (BAP), Metaboliti reattivi dell'ossigeno (D-ROMS), Selenio, Omocisteina, Zinco, Vitamina B12, Proteina C Reattiva ad alta sensibilità, Ferritina, Indice Homa, Acidi grassi a catena lunga e rapporto omega

VALORI DI RIFERIMENTO

|  |      |  |       |                       |  |
|--|------|--|-------|-----------------------|--|
| <b>IUNIC ANTIAGING COMPLETO</b><br>1 TAMPONE CAVO ORALE + 2<br>PROV.SIERO (TAPPO BLU) + 1<br>PROV.SIERO CONGELATO + 1<br>PROV.SIERO METAL FREE + 1<br>PROV.PLASMA CITRATATO<br>(TAPPO VERDE ACQUA) | 1962 |  | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|--|------|--|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Il test indaga i meccanismi di invecchiamento dell'organismo: infiammazione, capacità di detossificazione, metabolismo dell'omocisteina, invecchiamento cutaneo, stress ossidativo e sensibilità alle tossine. L'analisi biochimica inclusa misura lo stato di benessere e l'efficacia di protezione dell'organismo, permettendo di definire strategie di prevenzione e anti-aging.  
Viene fornito un referto interpretato e commentato.

Compilare SCHEACC034 + consenso informato (CONS\_GEN20 Synlab oppure consenso dello specialista).

Il pacchetto comprende le seguenti analisi :

Acido folico, Potenziale biologico ossidante (BAP), Metaboliti reattivi dell'ossigeno (D-ROMS), Acidi grassi a catena lunga e rapporto omega, Selenio, Omocisteina, Zinco, Vitamina B12, Proteina C Reattiva ad alta sensibilità, Ferritina, Indice Homa, Antiaging Check DNA

VALORI DI RIFERIMENTO

| ANALITA | COD. | METODO | TAT | ESECUZIONE | SEZIONE |
|---------|------|--------|-----|------------|---------|
|---------|------|--------|-----|------------|---------|

|   |      |  |       |                       |  |
|---|------|--|-------|-----------------------|--|
| <b>IUNIC METABOLIC CHECK-UP</b><br>2 PROV. SIERO (TAPPO ROSSO+TAPPO BLU) + 1 PROV. KF/NA2 EDTA (TAPPO GRIGIO) + 1 PROV. SIERO CONGELATO | 1948 |  | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|---|------|--|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Il test appartiene alla LINEA IUNIC ed è contenuto anche in IUNIC METABOLIC COMPLETO (codice 1963).  
Può essere richiesto singolarmente per il monitoraggio periodico del paziente che ha precedentemente eseguito IUNIC METABOLIC COMPLETO.  
Per il test LDL Ossidate contenuto in questo pacchetto: congelare il campione nel caso non venga inviato entro 6 ore dal prelievo.

Il pacchetto comprende le seguenti analisi :  
Adiponectina, Indice Homa, Leptina, Colesterolo HDL, Trigliceridi, Colesterolo LDL, Apolipoproteina B, LDL Ossidate

VALORI DI RIFERIMENTO

|   |      |  |       |                       |  |
|---|------|--|-------|-----------------------|--|
| <b>IUNIC METABOLIC COMPLETO</b><br>2 PROV. SIERO (TAPPO ROSSO+TAPPO BLU) + 1 PROV. KF/NA2 EDTA (TAPPO GRIGIO) + 1 PROV. SIERO CONGELATO<br>+ 1 TAMPONE CAVO ORALE | 1963 |  | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|---|------|--|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Il test contiene analisi genetiche e biochimiche che indagano il metabolismo di grassi e zuccheri, capacità di assimilazione dell'organismo e regolazione dell'appetito. Combinando informazioni genetiche e biochimiche è possibile definire priorità della strategia dietetica idonea, evitando l'effetto yo-yo delle diete tentate senza solide conoscenze del profilo genetico-costituzionale.

Per il test LDL Ossidate contenuto in questo pacchetto: congelare il campione nel caso non venga inviato entro 6 ore dal prelievo.  
Viene fornito un referto interpretato e commentato.

Compilare: consenso informato (CONS\_GEN20 Synlab oppure consenso dello specialista) + informativa privacy per test genetici INF\_GEN00.

Il pacchetto comprende le seguenti analisi :  
Adiponectina, Indice Homa, Leptina, Colesterolo HDL, Trigliceridi, Colesterolo LDL, Apolipoproteina B, LDL Ossidate, analisi di tutti i polimorfismi genetici inclusi nel test genetico Metabolic Check DNA

VALORI DI RIFERIMENTO

|  |      |  |       |                       |  |
|--|------|--|-------|-----------------------|--|
| <b>IUNIC SENSITIVITY CHECK-UP</b><br>2 PROV. SIERO (TAPPO BLU) | 1947 |  | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|--|------|--|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Il test appartiene alla LINEA IUNIC ed è contenuto anche in IUNIC SENSITIVITY COMPLETO (codice 1964).  
Può essere richiesto singolarmente per il monitoraggio periodico del paziente che ha precedentemente eseguito IUNIC SENSITIVITY COMPLETO.

Il pacchetto comprende le seguenti analisi :  
Intolleranze Alimentari EasyFood 120, Anticorpi anti-gliadina IgA, Anticorpi anti-gliadina IgG

VALORI DI RIFERIMENTO

|  |      |  |       |                       |  |
|--|------|--|-------|-----------------------|--|
| <b>IUNIC SENSITIVITY COMPLETO</b><br>2 PROV. SIERO (TAPPO BLU)<br>+ 1 TAMPONE CAVO ORALE | 1964 |  | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|--|------|--|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Il test individua intolleranze e sensibilità a lattosio, glutine, sale, alcool, caffeina e nichel e verso 120 alimenti della dieta mediterranea. La parte genetica indaga il rischio di sensibilità alimentari con gli effetti collaterali che ne conseguono, la biochimica completa l'analisi distinguendo celiachia da Gluten Sensitivity non celiaca e qualificando la strategia alimentare con il test di reattività immunitaria su 120 alimenti.  
Viene fornito un referto interpretato e commentato.

Compilare: consenso informato (CONS\_GEN20 Synlab oppure consenso dello specialista) + informativa privacy per test genetici INF\_GEN00.

Il pacchetto comprende le seguenti analisi :  
Intolleranze Alimentari EasyFood 120, Anticorpi anti-gliadina IgA, Anticorpi anti-gliadina IgG, analisi di tutti i polimorfismi genetici inclusi nel test genetico Sensitivity Check DNA

VALORI DI RIFERIMENTO

| ANALITA  | COD. | METODO     | TAT   | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|--|------|------------|-------|-----------------------|---------|
| <b>IUNIC SPORT APPROFONDIMENTO BIOCHIMICO</b><br>2 CAMPIONI SIERO CONGELATO +<br>1 PROVETTA SIERO (TAPPO<br>ROSSO) + 1 PLASMA EDTA<br>CONGELATO (TAPPO VIOLA)  | 2212 |            | 15 gg | L   M   M   G   V   S |         |
| <b>ANALISI</b>   |      |            |       |                       |         |
| <p>Il test appartiene alla linea IUNIC e comprende una serie di analisi biochimiche, da richiedere opzionalmente in aggiunta a IUNIC Sport Power o Sport Endurance. Contiene approfondimenti di alta specialistica, per atleti interessati a performance di alto livello.</p> <p>Il pacchetto comprende esami che richiedono il congelamento. Comprende le seguenti analisi: Interleuchina 6, TNF (tumor necrosis factor), Creatin chinasi, Coenzima Q10.</p>  |      |            |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |      |            |       |                       |         |
| <b>IUNIC SPORT ENDURANCE CHECK DNA</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE<br>KIT SALIVA PER TEST GENETICI  | 8770 | MASS-ARRAY | 10 gg | L   M   M   G   V   S |         |
| <b>ANALISI</b>   |      |            |       |                       |         |
| <p>Questo test genetico appartiene alla linea IUNIC ed è contenuto in IUNIC Sport Endurance Completo (codice 2210). può essere richiesto singolarmente qualora non sia possibile inviare i campioni per la parte biochimica.</p> <p>Compilare consenso informato (INF_GEN22 Synlab oppure consenso dello specialista).</p>   |      |            |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |      |            |       |                       |         |
| Prevede Allegato   |      |            |       |                       |         |
| <b>IUNIC SPORT ENDURANCE CHECK UP</b><br>3 PROVETTE SIERO (TAPPO BLU)+<br>1 PROV. SIERO CONGELATO + 1<br>PROV.SANGUE INTERO EDTA<br>(TAPPO VIOLA)  | 2211 |            | 10 gg | L   M   M   G   V   S |         |
| <b>ANALISI</b>   |      |            |       |                       |         |
| <p>Il test appartiene alla linea IUNIC ed è contenuto anche in IUNIC Sport Endurance Completo (codice 2210). Può essere richiesto singolarmente per il monitoraggio periodico del paziente che ha precedentemente eseguito IUNIC Sport Endurance Completo.</p> <p>Il pacchetto comprende le seguenti analisi:<br/>           Reticolociti, Transferrina, Recettore solubile della transferrina (stfr), Vitamina d (25 oh), Magnesio, LDH, Acidi grassi a catena lunga e rapporto omega, Proteina C reattiva ad alta sensibilità.</p>   |      |            |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |      |            |       |                       |         |
| <b>IUNIC SPORT ENDURANCE COMPLETO</b><br>3 PROVETTE SIERO (TAPPO BLU)+<br>1 PROV.SIERO CONGELATO + 2<br>PROV.SANGUE INTERO EDTA<br>(TAPPO VIOLA)   | 2210 |            | 10 gg | L   M   M   G   V   S |         |
| <b>ANALISI</b>   |      |            |       |                       |         |
| <p>Il test individua le caratteristiche che influenzano la risposta muscolare e il rendimento negli sport di Resistenza. Comprende una parte di analisi di predisposizione genetica e una parte di analisi biochimiche per valutare lo stato di benessere dello sportivo. Viene fornito un referto interpretato e commentato, riportante indicazioni di nutrizione sportiva e di piano di allenamento.</p> <p>Il test valuta i seguenti aspetti: Tipologia di fibra muscolare, Reattività muscolare all'allenamento, Produzione di energia, Proprietà cardio-polmonari, Proprietà vascolari, Suscettibilità agli infortuni.</p> <p>Compilare consenso informato (CONS_GEN20 Synlab oppure consenso dello specialista)</p> <p>Il pacchetto comprende le seguenti analisi :<br/>           Reticolociti, Transferrina, Recettore solubile della transferrina, Vitamina D(25-OH), Magnesio, LDH, Acidi grassi a catena lunga e rapporto omega, Proteina C Reattiva ad alta sensibilità, Iunic Sport Endurance Check DNA</p> |      |            |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |      |            |       |                       |         |
| <b>IUNIC SPORT POWER CHECK DNA</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE<br>KIT SALIVA PER TEST GENETICI  | 8772 | MASS-ARRAY | 10 gg | L   M   M   G   V   S |         |
| <b>ANALISI</b>   |      |            |       |                       |         |
| <p>Questo test genetico appartiene alla linea IUNIC ed è contenuto in IUNIC Sport Power Completo (codice 2213). può essere richiesto singolarmente qualora non sia possibile inviare i campioni per la parte biochimica.</p> <p>Inviare il consenso sanitario specifico per il test (INF_GEN22 Synlab oppure consenso dello specialista).</p>  |      |            |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |      |            |       |                       |         |
| Prevede Allegato   |      |            |       |                       |         |

| ANALITA | COD. | METODO | TAT | ESECUZIONE | SEZIONE |
|---------|------|--------|-----|------------|---------|
|---------|------|--------|-----|------------|---------|

|   |      |  |       |                       |  |
|---|------|--|-------|-----------------------|--|
| <b>IUNIC SPORT POWER CHECK UP</b><br>3 PROVETTE SIERO (TAPPO BLU)+<br>1 PROV. SIERO CONGELATO + 1<br>PROV.SANGUE INTERO EDTA<br>(TAPPO VIOLA) | 2214 |  | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|---|------|--|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Il test appartiene alla linea IUNIC ed è contenuto anche in IUNIC Sport Power Completo (codice 2213). Può essere richiesto singolarmente per il monitoraggio periodico del paziente che ha precedentemente eseguito IUNIC Sport Power Completo.

Il pacchetto comprende le seguenti analisi:

Reticolociti, Transferrina, recettore solubile della transferrina, vitamina D (25 oh), testosterone, DHEA-S, cortisolo, metaboliti reattivi dell'ossigeno, acidi grassi a catena lunga e rapporto omega, proteina C reattiva ad alta sensibilità

VALORI DI RIFERIMENTO

|  |      |  |       |                       |  |
|--|------|--|-------|-----------------------|--|
| <b>IUNIC SPORT POWER COMPLETO</b><br>3 PROVETTE SIERO (TAPPO BLU)+<br>1 PROV.SIERO CONGELATO + 2<br>PROV.SANGUE INTERO EDTA<br>(TAPPO VIOLA) | 2213 |  | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|--|------|--|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Il test individua le caratteristiche che influenzano la risposta muscolare e il rendimento negli sport di Potenza. Comprende una parte di analisi di predisposizione genetica e una parte di analisi biochimiche per valutare lo stato di benessere dello sportivo. Viene fornito un referto interpretato e commentato, riportante indicazioni di nutrizione sportiva e di piano di allenamento. Il test valuta i seguenti aspetti: Tipologia di fibra muscolare, Performance muscolare di potenza, Produzione di energia, Capacità di recupero, Suscettibilità agli infortuni

Compilare consenso informato (CONS\_GEN20 Synlab oppure consenso dello specialista).

Il pacchetto comprende le seguenti analisi :

Reticolociti, Transferrina, Recettore solubile della transferrina, Vitamina D(25-OH), Testosterone, DHEAS, Cortisolo plasmatico, Metaboliti reattivi dell'ossigeno, Acidi grassi a catena lunga e rapporto omega, Proteina C Reattiva ad alta sensibilità, Iunic Sport Power Check DNA

VALORI DI RIFERIMENTO

|   |      |            |   |       |                       |
|---|------|------------|---|-------|-----------------------|
| <b>MALATTIA DI ALZHEIMER: RICERCA DI MUTAZIONI NEI GENI PSEN1, PSEN2</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA | 2087 | 1 CAMPIONE | SEQUENZIAMENTO<br>MEDIANTE NEXT<br>GENERATION<br>SEQUENCING (NGS) | 31 gg | L   M   M   G   V   S |
|---|------|------------|---|-------|-----------------------|

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

|   |      |            |   |       |                       |
|---|------|------------|---|-------|-----------------------|
| <b>MALATTIA DI PARKINSON: RICERCA DI MUTAZIONI IN PANNELLO DI GENI</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA | 2088 | 1 CAMPIONE | SEQUENZIAMENTO<br>MEDIANTE NEXT<br>GENERATION<br>SEQUENCING (NGS) | 31 gg | L   M   M   G   V   S |
|---|------|------------|---|-------|-----------------------|

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

|   |      |            |            |       |                       |
|---|------|------------|------------|-------|-----------------------|
| <b>METABOLIC CHECK DNA</b><br>TAMPONE CAVO ORALE<br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>KIT SALIVA PER TEST GENETICI | 8716 | 2 CAMPIONI | MASS-ARRAY | 10 gg | L   M   M   G   V   S |
|---|------|------------|------------|-------|-----------------------|

ANALISI

Questo test genetico appartiene alla LINEA IUNIC ed è contenuto in IUNIC METABOLIC COMPLETO (codice 1963). Può essere richiesto singolarmente qualora non sia possibile inviare i campioni per la parte biochimica.

Compilare: consenso informato (INF\_GEN22 Synlab oppure consenso dello specialista)

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

| ANALITA   | COD. | METODO   | TAT   | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|---|------|--|-------|-----------------------|---------|
| <b>myEDIT-B: DIAGNOSI DIFFERENZIALE TRA DISTURBO BIPOLARE E DEPRESSIONE UNIPOLARE</b><br>BLOOD RNA TUBE | 8836 | SEQUENZIAMENTO MEDIANTE NEXT GENERATION SEQUENCING (NGS) | 24 gg | L   M   M   G   V   S |         |
| 1 CAMPIONE  |      |  |       |                       |         |

ANALISI

Erogabile unicamente dal lunedì al giovedì a pazienti inviati da un medico psichiatra e in possesso dell'apposito modulo di richiesta esame (SCHEACC041) fornito da SYNLAB, compilato in tutte le sue parti.

Utilizzare il dispositivo specifico ordinabile presso il magazzino di Castenedolo (cod. SAP prodotto 600045113 – Blood RNA Tube).

Il campione deve pervenire in laboratorio a Castenedolo entro al massimo 48 ore dal prelievo.

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

|  |      |            |       |                       |  |
|--|------|------------|-------|-----------------------|--|
| <b>myPGx - PANNELLO FARMACO GENETICA COMPLETO</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE | 8707 | MASS-ARRAY | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|--|------|------------|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN18 Synlab oppure consenso dello specialista).

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede allegato

|   |      |   |      |                       |  |
|---|------|---|------|-----------------------|--|
| <b>NEOBONA - PRENATAL TEST (T21, T18, T13)</b><br>KIT SPECIFICO | 1501 | MPS - SEQUENZIAMENTO MASSIVO PARALLELO PAIR END | 7 gg | L   M   M   G   V   S |  |
| 1 PROVETTA  |      |   |      |                       |  |

ANALISI

KIT PRELIEVO SU RICHIESTA

Compilare il modulo di consenso CONS\_GEN15  
NON NECESSARIA CATENA DI CUSTODIA

VALORI DI RIFERIMENTO

NEOBONA - PRENATAL TEST QUALITATIVO

|  |      |  |      |                       |  |
|--|------|--|------|-----------------------|--|
| <b>NEOBONA + CARRIER TEST</b><br>1 SANGUE PER DNA CIRCOLANTE (NIPT) + 1 SANGUE INTERO EDTA (VIOLA) | 8755 |  | 7 gg | L   M   M   G   V   S |  |
| 1 CAMPIONE   |      |  |      |                       |  |

ANALISI

Necessari 2 campioni : 1 SANGUE PER DNA CIRCOLANTE (NIPT) e 1 SANGUE INTERO IN EDTA

ANALISI COMPRESSE NEL PROFILO :

- 1501 NEOBONA PRENATAL TEST (T21, T18, T13)
- 488 GENE FMR1 : ANALISI DI PREMUTAZIONE (SINDROME DA X-FRAGILE)
- 60140 DIAGNOSI MOLECOLARE DI FIBROSI CISTICA (88 MUTAZIONI)
- 8505 GENE SMN1 : RICERCA DI DELEZIONI RESPONSABILI DI ATROFIA MUSCOLARE SPINALE (SMA)

Inviare consenso informato CONS\_GEN15 + CONS\_GEN20 compilato e firmato da medico e paziente

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

|  |      |   |      |                       |  |
|--|------|---|------|-----------------------|--|
| <b>NEOBONA ADVANCED - PRENATAL TEST (T21, T18, T13, ANOMALIE X E Y)</b><br>KIT SPECIFICO | 1502 | MPS - SEQUENZIAMENTO MASSIVO PARALLELO PAIR END | 7 gg | L   M   M   G   V   S |  |
| 1 PROVETTA   |      |   |      |                       |  |

ANALISI

KIT PRELIEVO SU RICHIESTA

Compilare il modulo di consenso CONS\_GEN15  
NON NECESSARIA CATENA DI CUSTODIA

VALORI DI RIFERIMENTO

NEOBONA ADVANCED - PRENATAL TEST QUALITATIVO

| ANALITA | COD. | METODO | TAT | ESECUZIONE | SEZIONE |
|---------|------|--------|-----|------------|---------|
|---------|------|--------|-----|------------|---------|

|   |            |  |       |                       |  |
|---|------------|--|-------|-----------------------|--|
| <b>NEOBONA GENOMEWIDE + CARRIER SCREENING</b>                     | 8575       |  | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
| 1 SANGUE PER DNA CIRCOLANTE (NIPT) + 1 SANGUE INTERO EDTA (VIOLA) | 1 CAMPIONE |  |       |                       |  |

ANALISI

Necessari 2 campioni : 1 SANGUE PER DNA CIRCOLANTE (NIPT) e 1 SANGUE INTERO IN EDTA

ANALISI COMPRESSE NEL PROFILO :

- 488 : GENE FMR1 ANALISI DI PREMUTAZIONE (SINDROME DA X-FRAGILE)
- 60140 : DIAGNOSI MOLECOLARE DI FIBROSI CISTICA (TEST DI 1° LIVELLO)
- 8505 : GENE SMN1 RICERCA DI DELEZIONI RESPONSABILI DI ATROFIA MUSCOLARE SPINALE (SMA)
- 8763 : NEOBONA KARYO GENOMEWIDE PRENATAL TEST

Inviare consenso informato CONS\_GEN15 + CONS\_GEN20 compilato e firmato da medico e paziente

VALORI DI RIFERIMENTO

|   |            |  |       |                       |  |
|---|------------|--|-------|-----------------------|--|
| <b>NEOBONA KARYO + CARRIER TEST</b>                               | 8768       |  | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
| 1 SANGUE PER DNA CIRCOLANTE (NIPT) + 1 SANGUE INTERO EDTA (VIOLA) | 1 CAMPIONE |  |       |                       |  |

ANALISI

Necessari 2 campioni : 1 SANGUE PER DNA CIRCOLANTE (NIPT) e 1 SANGUE INTERO IN EDTA

ANALISI COMPRESSE NEL PROFILO :

- 488 : GENE FMR1 ANALISI DI PREMUTAZIONE (SINDROME DA X-FRAGILE)
- 60140 : DIAGNOSI MOLECOLARE DI FIBROSI CISTICA (TEST DI 1° LIVELLO)
- 8505 : GENE SMN1 RICERCA DI DELEZIONI RESPONSABILI DI ATROFIA MUSCOLARE SPINALE (SMA)
- 8762 NEOBONA KARYO PRENATAL TEST

Inviare consenso informato CONS\_GEN15 + CONS\_GEN20 compilato e firmato da medico e paziente

VALORI DI RIFERIMENTO

|   |            |   |      |                       |  |
|---|------------|---|------|-----------------------|--|
| <b>NEOBONA KARYO GENOMEWIDE PRENATAL TEST</b> | 8763       | MPS - SEQUENZIAMENTO MASSIVO PARALLELO PAIR END | 7 gg | L   M   M   G   V   S |  |
| KIT SPECIFICO                                 | 1 CAMPIONE |   |      |                       |  |

ANALISI

Inviare consenso informato CONS\_GEN15 compilato e firmato da medico e paziente

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

|                                    |            |   |      |                       |  |
|------------------------------------|------------|---|------|-----------------------|--|
| <b>NEOBONA KARYO PRENATAL TEST</b> | 8762       | MPS - SEQUENZIAMENTO MASSIVO PARALLELO PAIR END | 7 gg | L   M   M   G   V   S |  |
| KIT SPECIFICO                      | 1 CAMPIONE |   |      |                       |  |

ANALISI

Inviare consenso informato CONS\_GEN15 compilato e firmato da medico e paziente

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

|  |            |  |       |                       |  |
|--|------------|--|-------|-----------------------|--|
| <b>NEOPLASIA ENDOCRINA MULTIPLA (MEN) - PANNELLO NGS</b> | 2054       | SEQUENZIAMENTO MEDIANTE NEXT GENERATION SEQUENCING (NGS) | 31 gg | L   M   M   G   V   S |  |
| SANGUE INTERO IN EDTA                                    | 1 CAMPIONE |  |       |                       |  |

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

| ANALITA   | COD. | METODO  | TAT   | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|---|------|---|-------|-----------------------|---------|
| <b>NEUROFIBROMATOSI: RICERCA DI MUTAZIONI NEI GENI NF1, NF2</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA 1 CAMPIONE | 2097 | SEQUENZIAMENTO<br>MEDIANTE NEXT<br>GENERATION<br>SEQUENCING (NGS) | 31 gg | L   M   M   G   V   S |         |

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

|   |       |               |      |                       |  |
|---|-------|---------------|------|-----------------------|--|
| <b>OMOCISTEINA DNA (MUTAZIONE MTHFR) C677T + A1298C</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA 5 mL | 60126 | PCR REAL TIME | 5 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|---|-------|---------------|------|-----------------------|--|

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

|  |   |
|--|---|
| GENE MTHFR: RICERCA DELLA<br>VARIAZIONE C677T  | Genotipo Individuato<br>Interpretazione del risultato |
| GENE MTHFR: RICERCA DELLA<br>VARIAZIONE A1298C | Genotipo Individuato<br>Interpretazione del risultato |

|  |      |  |       |                       |  |
|--|------|--|-------|-----------------------|--|
| <b>PANNELLO 3 MALATTIE GENETICHE (FIBROSI CISTICA,SMA,BETA<br/>TALASSEMIA)</b> | 1966 |  | 15 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|--|------|--|-------|-----------------------|--|

ANALISI

ANALISI COMPRESSE NEL PROFILO :

- 60140 DIAGNOSI MOLECOLARE DI FIBROSI CISTICA (TEST DI 1° LIVELLO)
- 8424 DIAGNOSI MOLECOLARE DI BETA TALASSEMIA : SEQUENZIAMENTO COMPLETO DEL GENE HBB
- 8505 GENE SMN1 : RICERCA DI DELEZIONI RESPONSABILI DI ATROFIA MUSCOLARE SPINALE (SMA)

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

|  |      |  |       |                       |  |
|--|------|--|-------|-----------------------|--|
| <b>PANNELLO 5 MALATTIE GENETICHE (FIBROSI CISTICA,SMA,BETA<br/>TALASSEMIA,X-FRAGILE,DMD)</b> | 1967 |  | 15 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|--|------|--|-------|-----------------------|--|

ANALISI

ANALISI COMPRESSE NEL PROFILO :

- 60140 DIAGNOSI MOLECOLARE DI FIBROSI CISTICA (TEST DI 1° LIVELLO)
- 8424 DIAGNOSI MOLECOLARE DI BETA TALASSEMIA : SEQUENZIAMENTO COMPLETO DEL GENE HBB
- 8505 GENE SMN1 : RICERCA DI DELEZIONI RESPONSABILI DI ATROFIA MUSCOLARE SPINALE (SMA)
- 488 ANALISI DI PREMUTAZIONE DEL GENE FMR1 (SINDROME DA X-FRAGILE)
- 6308 DISTROFIA MUSCOLARE DI DUCHENNE (DMD)

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

| ANALITA   | COD. | METODO        | TAT   | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|---|------|---------------|-------|-----------------------|---------|
| <b>PANNELLO CARDIOVASCOLARE 12 MUTAZIONI</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE | 8544 | REAL TIME PCR | 10 gg | L   M   M   G   V   S |         |

ANALISI

Il pannello comprende le seguenti prestazioni:

- 1051 Ricerca della variazione 4G/5G (rs1799889) del gene PAI-1
- 1274 Gene Fattore V: ricerca della mutazione H1299R (detta HR2)
- 60124 Gene MTHFR: ricerca della mutazione C677T (rs1801133)
- 601240 Gene MTHFR: ricerca della variazione A1298C (rs1801131)
- 60540 Gene Fattore V: ricerca della mutazione G1691A (detta di Leiden)
- 60542 Gene Fattore II (Protrombina): ricerca della mutazione G20210A (rs1799963)
- 8049 Gene ACE: ricerca della variazione I/D (rs4646994)
- 8193 Gene HPA-1: ricerca della variazione 1a/1b
- 8363 Gene ApoB: ricerca della variazione R3500Q nel gene ApoB
- 8366 Gene ApoE: genotipizzazione
- 8402 Gene Fattore XIII: ricerca della variazione V34L
- 8410 Gene FIBRB (fibrinogeno beta): ricerca della variazione -455G>A

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

|  |      |               |      |                       |  |
|--|------|---------------|------|-----------------------|--|
| <b>PANNELLO CARDIOVASCOLARE 6 MUTAZIONI</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE | 8573 | REAL TIME PCR | 5 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|--|------|---------------|------|-----------------------|--|

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab oppure consenso dello specialista).

Il pannello comprende le seguenti prestazioni:

- 1051 Ricerca della variazione 4G/5G (rs1799889) del gene PAI-1
- 1274 Gene Fattore V: ricerca della mutazione H1299R (detta HR2)
- 60124 Gene MTHFR: ricerca della mutazione C677T (rs1801133)
- 601240 Gene MTHFR: ricerca della variazione A1298C (rs1801131)
- 60540 Gene Fattore V: ricerca della mutazione G1691A (detta di Leiden)
- 60542 Gene Fattore II (Protrombina): ricerca della mutazione G20210A (rs1799963)

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

|   |      |   |       |                       |  |
|---|------|---|-------|-----------------------|--|
| <b>PREDISPOSIZIONE A MELANOMA FAMILIARE - PANNELLO NGS</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>1 CAMPIONE | 2055 | SEQUENZIAMENTO<br>MEDIANTE NEXT<br>GENERATION<br>SEQUENCING (NGS) | 31 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|---|------|---|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

|   |      |   |       |                       |  |
|---|------|---|-------|-----------------------|--|
| <b>PREDISPOSIZIONE A POLIPOSIS ADENOMATOSA FAMILIARE: RICERCA DI MUTAZIONI NEI GENI APC, MUTYH</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>1 CAMPIONE | 2059 | SEQUENZIAMENTO<br>MEDIANTE NEXT<br>GENERATION<br>SEQUENCING (NGS) | 31 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|---|------|---|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

|   |      |   |       |                       |  |
|---|------|---|-------|-----------------------|--|
| <b>PREDISPOSIZIONE A TUMORE FAMILIARE ALLA PROSTATA - PANNELLO NGS</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>1 CAMPIONE | 2057 | SEQUENZIAMENTO<br>MEDIANTE NEXT<br>GENERATION<br>SEQUENCING (NGS) | 31 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|---|------|---|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato



| ANALITA   | COD. | METODO                     | TAT   | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|---|------|----------------------------|-------|-----------------------|---------|
| <b>QF-PCR su materiale abortivo (ricerca anomalie cromosomiche su 13, 15, 16, 18, 21, 22, X, Y)</b><br>TESSUTO ABORTIVO | 8498 | PCR E ANALISI DI FRAMMENTI | 10 gg | L   M   M   G   V   S |         |

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab oppure consenso dello specialista).

ATTENZIONE: è richiesto l'invio anche di 1 tampone cavo orale della madre.

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

|   |      |  |       |                       |  |
|---|------|--|-------|-----------------------|--|
| <b>QT LUNGO – PANNELLO NGS PER LA DIAGNOSI DELLA SINDROME DEL QT LUNGO FAMILIARE</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA | 2083 | SEQUENZIAMENTO MEDIANTE NEXT GENERATION SEQUENCING (NGS) | 31 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|---|------|--|-------|-----------------------|--|

1 CAMPIONE

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede Allegato

|   |      |            |       |                       |  |
|---|------|------------|-------|-----------------------|--|
| <b>RHUMA PGx - PANNELLO FARMACOGENETICA PER ANTIPIRETTICI,ANTIINFAMMATORI,ANALGESICI</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>TAMPONE CAVO ORALE | 8711 | MASS-ARRAY | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|---|------|------------|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS\_GEN18 Synlab oppure consenso dello specialista).

VALORI DI RIFERIMENTO

RHUMA PGx - Pannello farmacogenetica per antipirettici,antiinfiammatori,analgesici

Prevede allegato

|   |      |          |       |                       |  |
|---|------|----------|-------|-----------------------|--|
| <b>RICERCA DELLA VARIAZIONE A1166C NEL GENE AGTR1</b><br>TAMPONE CAVO ORALE | 8063 | RFLP PCR | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|---|------|----------|-------|-----------------------|--|

1 TAMPONE

ANALISI

VALORI DI RIFERIMENTO

Prevede allegato

|   |      |  |       |                       |  |
|---|------|--|-------|-----------------------|--|
| <b>RICERCA DI MUTAZIONI NEI GENI FSHR e LHGCR</b> | 8565 |  | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|---|------|--|-------|-----------------------|--|

ANALISI

Prestazioni incluse nel profilo:

- 8415 Gene FSHR: ricerca delle variazioni T307A e N680S
- 8464 Gene LHGCR: ricerca della variazione R554X (rs121912524)

VALORI DI RIFERIMENTO

|  |      |               |       |                       |  |
|--|------|---------------|-------|-----------------------|--|
| <b>RICERCA MOLECOLARE DI HLA- G</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA | 1218 | PCR REAL TIME | 10 gg | L   M   M   G   V   S |  |
|--|------|---------------|-------|-----------------------|--|

1 CAMPIONE

ANALISI

VALORI DI RIFERIMENTO

HLA- G

- Mutazione:

- Inserzione/delezione:

Genotipo omozigote CC

Genotipo omozigote INS

Genotipo eterozigote CG

Genotipo eterozigote INS/DEL

Genotipo omozigote GG

Genotipo omozigote DEL

| ANALITA   | COD. | METODO  | TAT   | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|---|------|---|-------|-----------------------|---------|
| <b>RICERCA MOLECOLARE DI HLA-B5701</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>1 CAMPIONE   | 6207 | PCR   | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |      |   |       |                       |         |
| HLA B5701 DNA<br>Negativo<br>Positivo   |      |   |       |                       |         |
| <b>SCLEROSI TUBEROSA: RICERCA DI MUTAZIONI NEI GENI TSC1 E TSC2</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>1 CAMPIONE  | 2066 | SEQUENZIAMENTO<br>MEDIANTE NEXT<br>GENERATION<br>SEQUENCING (NGS) | 31 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)   |      |   |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |      |   |       |                       |         |
| Prevede Allegato  |      |   |       |                       |         |
| <b>SENSITIVITY CHECK DNA</b><br>TAMPONE CAVO ORALE<br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>KIT SALIVA PER TEST GENETICI<br>2 CAMPIONI   | 8718 | MASS-ARRAY  | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| Questo test genetico appartiene alla LINEA IUNIC ed è contenuto in IUNIC SENSITIVITY COMPLETO (codice 1964). Può essere richiesto singolarmente qualora non sia possibile inviare i campioni per la parte biochimica. |      |   |       |                       |         |
| Compilare: consenso informato (INF_GEN22 Synlab oppure consenso dello specialista).   |      |   |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |      |   |       |                       |         |
| Prevede Allegato  |      |   |       |                       |         |
| <b>SINDROME DI BRUGADA – PANNELLO NGS</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>1 CAMPIONE  | 2082 | SEQUENZIAMENTO<br>MEDIANTE NEXT<br>GENERATION<br>SEQUENCING (NGS) | 31 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)   |      |   |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |      |   |       |                       |         |
| Prevede Allegato  |      |   |       |                       |         |
| <b>SINDROME DI FABRY: RICERCA DI MUTAZIONI NEL GENE GLA</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>1 CAMPIONE  | 2070 | SEQUENZIAMENTO<br>MEDIANTE NEXT<br>GENERATION<br>SEQUENCING (NGS) | 31 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)   |      |   |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |      |   |       |                       |         |
| Prevede Allegato  |      |   |       |                       |         |
| <b>SINDROME DI GILBERT</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>1 CAMPIONE   | 1637 | REAL TIME PCR   | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN20 Synlab oppure consenso dello specialista.)  |      |   |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |      |   |       |                       |         |
| Prevede Allegato  |      |   |       |                       |         |
| <b>SINDROME DI LI FRAUMENI: RICERCA DI MUTAZIONI NEI GENI CHECK2, TP53</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA<br>1 CAMPIONE   | 2098 | SEQUENZIAMENTO<br>MEDIANTE NEXT<br>GENERATION<br>SEQUENCING (NGS) | 31 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)   |      |   |       |                       |         |
| VALORI DI RIFERIMENTO   |      |   |       |                       |         |
| Prevede Allegato  |      |   |       |                       |         |

| ANALITA   | COD. | METODO  | TAT   | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|---|------|---|-------|-----------------------|---------|
| <b>SINDROME DI NOONAN: RICERCA DI MUTAZIONI IN PANNELLO DI GENI</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA                      1 CAMPIONE  | 2064 | SEQUENZIAMENTO<br>MEDIANTE NEXT<br>GENERATION<br>SEQUENCING (NGS) | 31 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)<br>-----<br>VALORI DI RIFERIMENTO   |      |   |       |                       |         |
| Prevede Allegato  |      |   |       |                       |         |
| <b>SINDROME DI PEUTZ-JEGHERS: RICERCA DI MUTAZIONI NEL GENE STK11</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA                      1 CAMPIONE  | 2068 | SEQUENZIAMENTO<br>MEDIANTE NEXT<br>GENERATION<br>SEQUENCING (NGS) | 31 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)<br>-----<br>VALORI DI RIFERIMENTO   |      |   |       |                       |         |
| Prevede Allegato  |      |   |       |                       |         |
| <b>SINDROME DI SMITH-LEMLI-OPITZ: RICERCA DI MUTAZIONI NEL GENE DHCR7</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA                      1 CAMPIONE  | 2067 | SEQUENZIAMENTO<br>MEDIANTE NEXT<br>GENERATION<br>SEQUENCING (NGS) | 31 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)<br>-----<br>VALORI DI RIFERIMENTO   |      |   |       |                       |         |
| Prevede Allegato  |      |   |       |                       |         |
| <b>SORDITÀ EREDITARIA NON SINDROMICA: SEQUENZIAMENTO COMPLETO GJB2 (CX26) E RICERCA DELEZIONE D13S1830 SUL GENE GJB6 (CX30)</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA                      1 CAMPIONE<br>LIQUIDO AMNIOTICO<br>VILLI CORIALI  | 8393 | PCR E SEQUENZIAMENTO<br>DIRETTO                                   | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN20 Synlab + ALLEGATO Sordità o consenso informato dello specialista.)<br>-----<br>VALORI DI RIFERIMENTO  |      |   |       |                       |         |
| Sordità ereditaria non sindromica: sequenziamento completo GJB2 (CX26)                      Prevede Allegato  |      |   |       |                       |         |
| <b>TEST DI DISOMIA UNIPARENTALE DEL CROMOSOMA 15</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA                      1 CAMPIONE   | 8513 | PCR E ANALISI DI<br>FRAMMENTI                                     | 15 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| Inviare il consenso sanitario specifico per il test (CONS_GEN20 Synlab + ALLEGATO Generico o consenso informato dello specialista.)<br>ATTENZIONE: per l'esecuzione dell'esame è necessario l'invio di 1 campione di sangue intero EDTA per ciascun genitore.<br>-----<br>VALORI DI RIFERIMENTO                               |      |   |       |                       |         |
| Prevede Allegato  |      |   |       |                       |         |
| <b>TEST DI FAMILIARITÀ - REFERTO NOMINALE E LEGALE</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA                      2 CAMPIONI<br>TAMPONE CAVO ORALE<br>LIQUIDO AMNIOTICO<br>VILLI CORIALI   | 8495 | PCR E ANALISI DI<br>FRAMMENTI                                     | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| Inviare il consenso sanitario specifico per il test (INF_GEN16 Synlab oppure consenso dello specialista) necessariamente firmato e timbrato da un medico specialista o genetista (biologo o medico). In caso contrario, l'esecuzione del test verrà bloccata e verrà emessa non conformità.<br>-----<br>VALORI DI RIFERIMENTO |      |   |       |                       |         |
| RISULTATO                      Referto originale in allegato  |      |   |       |                       |         |

| ANALITA  | COD.  | METODO  | TAT   | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|--|-------|---|-------|-----------------------|---------|
| <b>TIPIZZAZIONE MOLECOLARE HLA DI CLASSE I (LOCI A-B-C)</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA 5 mL  | 60115 | PCR + IBRIDAZIONE   | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |       |   |       |                       |         |
| HLA TIPIZZAZIONE CLASSE I (LOCI A-B-C)   |       | Esoni 1,2,3,4 locus A<br>Esoni 2,3,4 locus B<br>Esoni 2,3 locus C |       |                       |         |
| <b>TIPIZZAZIONE MOLECOLARE HLA DI CLASSE I A (LOCUS A)</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA 5 mL   | 60116 | PCR E REVERSE DOT BLOT  | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |       |   |       |                       |         |
| HLA TIPIZZAZIONE LOCUS A   |       | Tipizzazione molecolare locus A                                   |       |                       |         |
| <b>TIPIZZAZIONE MOLECOLARE HLA DI CLASSE I B (LOCUS B)</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA 5 mL   | 60117 | PCR E REVERSE DOT BLOT  | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |       |   |       |                       |         |
| HLA TIPIZZAZIONE LOCUS B   |       | Tipizzazione molecolare locus B                                   |       |                       |         |
| <b>TIPIZZAZIONE MOLECOLARE HLA DI CLASSE I C (LOCUS C)</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA 5 mL   | 60118 | PCR E REVERSE DOT BLOT  | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |       |   |       |                       |         |
| HLA TIPIZZAZIONE LOCUS C   |       | Tipizzazione molecolare locus C                                   |       |                       |         |
| <b>TIPIZZAZIONE MOLECOLARE HLA DI CLASSE II (LOCUS DQB1)</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA 5 mL | 60120 | PCR E REVERSE DOT BLOT  | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |       |   |       |                       |         |
| HLA TIPIZZAZIONE LOCUS DQ  |       | HLA di classe II  |       |                       |         |
| <b>TIPIZZAZIONE MOLECOLARE HLA DI CLASSE II (LOCUS DRB1)</b><br>SANGUE INTERO IN EDTA 5 mL | 60122 | PCR E REVERSE DOT BLOT  | 10 gg | L   M   M   G   V   S | ANALISI |
| VALORI DI RIFERIMENTO  |       |   |       |                       |         |
| HLA TIPIZZAZIONE LOCUS DR  |       | HLA di classe II  |       |                       |         |
| <b>VARIAZIONI *C e *F NEL GENE CYP1A2</b>  | 8376  |   | 10 gg | L   M   M   G   V   S |         |

Prestazioni comprese nel profilo:

- 8377 Gene CYP1A2: ricerca della variazione \*C

- 8378 Gene CYP1A2: ricerca della variazione \*F (rs762551)

VALORI DI RIFERIMENTO

| ANALITA  | COD. | METODO | TAT   | ESECUZIONE            | SEZIONE |
|--|------|--------|-------|-----------------------|---------|
| VARIAZIONI P E X NEL GENE ESR1 (RECETTORE DEGLI ESTROGENI DI TIPO 1) | 8554 |        | 10 gg | L   M   M   G   V   S |         |

Prestazione incluse nel profilo:

- 8399 Gene ESR1 (Recettore degli Estrogeni di tipo 1): ricerca della variazione P
- 8400 Gene ESR1 (Recettore degli Estrogeni di tipo 1): ricerca della variazione X

VALORI DI RIFERIMENTO